本 国 特 許 庁

PATENT OFFICE
JAPANESE GOVERNMENT

O 4.08.99

REC'D 27 SEP 1999

WIPO PCT

別紙添付の書類に記載されている事項は下記の出願書類に記載されている事項と同一であることを証明する。

This is to certify that the annexed is a true copy of the following application as filed with this Office.

出願年月日 Date of Application:

1998年 8月 5日

出 願 番 号 Application Number:

平成10年特許願第232382号

17/02

出 類 人 Applicant (s):

メルシャン株式会社

PRIORITY DOCUMENT

SUBMITTED OR TRANSMITTED IN COMPLIANCE WITH RULE 17.1(a) OR (b)

1999年 8月27日

特 許 庁 長 官 Commissioner, Patent Office 保佑山建門

【書類名】 特許願

【整理番号】 9808010

【提出日】 平成10年 8月 5日

【あて先】 特許庁長官 殿

【国際特許分類】 C12N 15/11

C12N 1/21

C12P 7/46

【発明の名称】 ホモグルタミン酸の生産に関与する遺伝子およびその使

用

【請求項の数】 7

【発明者】

【住所又は居所】 東京都杉並区西荻北4-39-4

【氏名】 藤井 匡

【発明者】

【住所又は居所】 神奈川県座間市南栗原4-2-42-312

【氏名】 成田 隆夫

【発明者】

【住所又は居所】 神奈川県藤沢市立石1-8-10

【氏名】 仲田 邦穂

【発明者】

【住所又は居所】 神奈川県藤沢市辻堂新町1-2-7-1105

【氏名】 恒川 博

【発明者】

【住所又は居所】 神奈川県綾瀬市吉岡1782-10

【氏名】 吉岡 武男

【特許出願人】

【識別番号】 000001915

【氏名又は名称】 メルシャン株式会社

【代理人】

【識別番号】

100060782

【弁理士】

【氏名又は名称】

小田島 平吉

【電話番号】

03-3585-2256

【代理人】

【識別番号】

100094293

【弁理士】

【氏名又は名称】 藤井 幸喜

【電話番号】

03-3585-2256

【代理人】

【識別番号】

100103311

【弁理士】

【氏名又は名称】 小田嶋 平吾

【電話番号】

03-3585-2256

【手数料の表示】

【予納台帳番号】 019666

【納付金額】

21,000円

【提出物件の目録】

【物件名】

明細書 1

【物件名】

図面 1

【物件名】

要約書 1

【物件名】

受託証の写し 2

【書類名】 明細書

【発明の名称】 ホモグルタミン酸の生産に関与する遺伝子およびその使用 【特許請求の範囲】

【請求項1】 フラボバクテリウム リュテセンス (Flavobacterium lutescens) に属する細菌から得ることのできる L - ホモグルタミン酸の生産に関与する遺伝子、あるいは該遺伝子において1もしくは数個のヌクレオチドが欠失、置換もしくは付加された改変体であって、L - ホモグルタミン酸の生産能を欠損した突然変異体の該生産能を回復しうる機能を有する改変体を含んでなる DNA。

【請求項2】 Lーホモグルタミン酸の生産に関与する遺伝子が、配列番号 : 2 に示される DN A 配列中の連続するヌクレオチド配列として存在するものであって、かつLーホモグルタミン酸の生産能を欠損した突然変異体の該生産能を 回復する機能を有するものである請求項1記載の DN A。

【請求項3】 Lーホモグルタミン酸の生産に関与する遺伝子が、配列番号 : 2のヌクレオチド2855番目のATGから4387番目のTAAまでのヌクレオチド配列を有し、あるいは該遺伝子の改変体がフラボバクテリウム リュテセンスのピペリジン-6-カルボン酸デヒドロゲナーゼ活性を有するタンパク質をコードする請求項1記載のDNA。

【請求項4】 Lーホモグルタミン酸の生産に関与する遺伝子、あるいは該遺伝子の改変体が自律複製性または組込み複製性ベクターの一部を形成する状態で存在する請求項1~3のいずれかに記載のDNA。

【請求項5】 該ベクターが、フラボバクテリウム リュテセンス IFO3 084(pCF213) (FERM P-16699) から得ることのできる請 求項4記載のDNA。

【請求項6】 宿主としてフラボバクテリウム属に属する細菌を請求項4または5記載のDNAで形質転換した形質転換体。

【請求項7】 請求項6記載の形質転換体を培地で培養し、培養中または培養後に、増殖した形質転換体をLーリジンまたは1ーピペリジンー6ーカルボン酸と接触させ、Lーホモグルタミン酸に変換し、こうして生産されたLーホモグルタミン酸を回収することを特徴とするLーホモグルタミン酸の生産方法。

【発明の詳細な説明】

[0001]

【発明の属する技術分野】

本発明は、遺伝子操作に関し、より具体的には、Lーホモグルタミン酸(またはL-2-アミノアジピン酸もしくはL-α-アミノアジピン酸とも称されている)の生産に関与する遺伝子を含むDNA、ならびにそれらを使用するL-ホモグルタミン酸の生産系に関する。

[0002]

【発明の背景】

L-ホモグルタミン酸は、細菌であるコレラ ビブリオ (Cholera vibrio)、トウモロコシをはじめとする植物体、カエルの胚など、生物界に広く見いだされている。真菌類などにおいてはリジン生合成の中間体として、β-ラクタム系抗生物質の生合成においては前駆体としての位置を占めている。また、L-ホモグルタミン酸は、メトトレキセート誘導体 (WO 92/09436)を始めとする各種医薬品の合成中間体としても有用である。

[0003]

ところで、Lーホモグルタミン酸の化学合成による製造は光学分割や多段階反応を必要とすることから、コスト的に有効な手段とはなっていない。一方、Agrobacterium (アグロバクテリウム)、Klebsiella (クレブシエラ)、Alcaligens (アルカリゲネス)、Brevibacterium (ブレビバクテリウム)、Bacillus (バチルス) 属に属する微生物を用いて、Lーリジンから製造する方法 (特開平6-181787号公報)が知られている。また本発明者らの一部も、フラボバクテリウム (Flavobacterium) 属に属する微生物を用いて、LーリジンからLーホモグルタミン酸の製造方法を提供した (WO 96/31616)。しかしながら、これらの微生物を用いる方法も、さらに効率よくLーホモグルタミン酸を製造できる方法が切望されている。

[0004]

そこで、本発明者らは、上記いずれかの微生物におけるLーホモグルタミン酸の生産系を、例えば遺伝子操作により増強することを目差した。かような操作の

参考にしうる情報について概観すると、例えば、セファマイシンCの生合成経路の研究の一端として、セファマイシンC生産菌であるストレプトマイセス クラブリゲルス (Streptomyces clavuligerus) のL-リジンから α -アミノアジピン酸(または、L-ホモグルタミン酸)への変換に関与するリジン-6-アミノトランスフェラーゼや、 Δ -1-ピペリジン-6-カルボン酸デヒドロゲナーゼの存在、また、前者については、該酵素をコードする遺伝子の位置等が確認されている (Fuente et al., Biochem. J. (1997) 327, 59-64)。

[0005]

また、L-リジンのバイオアッセイに用いられているフラボバクテリウム リュテセンス IFO 3084について、下記のような経路を触媒する2-オキソグルタール酸6-アミノトランスフェラーゼ [またはリジン6-アミノトランスフェラーゼ (以下、LATともいう)] が存在することが知られている (Soda et al., Biochemistry 7 (1968), 4110-4109, 同4110-4119)。

[0006]

【化1】

[0007]

なお、上記バイオアッセイでは、P6Cをo-アミノベンズアルデヒドと反応させて得られる生成物の吸光度が測定されている。また、L-リジンの別のバイオアッセイでは、アグロバクテリウム ツメファシエンス (Agrobacterium tumefaciens) のL-リジン6-デヒドロゲナーゼ活性が利用されている (Misono et

al., J. Biochem. (Tokyo) 105 (1989), 1002-1008).

[0008]

【発明の構成】

上記IFO 3084株は、上記のごとくLーリジンのバイオアッセイに常用されており、使用方法も確立されている。したがって、該IFO 3084株がLATに加えて、P6C(または、生体内では量的に平衡状態にあるといわれる2ーアミノアジピン酸セミアルデヒド)のデヒドロゲナーゼ活性タンパク質をコードする遺伝子を有するなら、本発明の目的、すなわち、Lーホモグルタミン酸の生産に関与する遺伝子を提供するとの目的に沿った遺伝子クローニング用の候補菌となり得るであろう。

[0009]

本発明者らは、フラボバクテリウム リュテセンスのリジン-6-アミノトランスフェラーゼ (LAT) 遺伝子 (lat) および、場合によって、ピペリジンー6-カルボン酸 (P6C) デヒドロゲナーゼ活性タンパク質をコードする遺伝子のクローニングを試みてきた。かようなクローニング方法として、他の細菌のアミノトランスフェラーゼとのDNAコンセンサス配列から目的の遺伝子を取得する方法や精製されたタンパク質のアミノ酸配列の決定から得られる情報を利用する方法などは、いずれも失敗に帰した。

[0010]

ところが、意外なことに、本発明者が、最終的に選択した宿主-ベクター系を使用すれば、ショットガンクローニングにより、少なくともL-ホモグルタミン酸の生産に関与しうる遺伝子をクローニングできることを見い出した。また、かような遺伝子の一定の改変体も同様に機能することも見い出した。

[0011]

したがって、本発明によれば、フラボバクテリウム リュテセンス (Flavobact erium lutescens) に属する細菌から得ることのできる L ー ホモグルタミン酸の 生産に関与する遺伝子、あるいは該遺伝子において 1 もしくは数個のヌクレオチドが欠失、置換もしくは付加された改変体であって、 L ー ホモグルタミン酸の生産能を欠損した突然変異体の該生産能を回復しうる機能を有する改変体を含んで

なるDNAが提供される。

[0012]

さらに、かような遺伝子で形質転換した形質転換体およびその使用によるL-ホモグルタミン酸の生産方法も提供される。

[0013]

【発明の具体的な態様】

本発明に従う遺伝子の起源としては、例えば、フラボバクテリウム リュテセンス (以下、F. lutescens ともいう)を宿主として発現しうるLーホモグルタミン酸の生産に関与する遺伝子を提供するものであれば、自然突然変異株を包含する F. lutescens の如何なる菌であってもよい。しかし、入手容易であり、培養等の好適な取り扱い条件が確立されている、上記IFO 3084株を好ましいものとして挙げることができる。

[0014]

本発明にいう、Lーホモグルタミン酸の生産に関与する遺伝子とは、LーリジンからP6Cまたは2ーアミノアジピン酸-6-セミアルデヒドを経てL-ホモグルタミン酸に至る2段階の変換系に関与しうるいずれかの遺伝子を意味する。この具体的なものとしては、本発明者らが以下のような戦略に基づいて確立した宿主-ベクター系を使用して得ることのできるものが挙げられる。

[0015]

F. lutescens の遺伝子操作を行うためには、F. lutescens の宿主-ベクター系の確立が必要であるが、これには次の3つの課題を解決する必要がある。

[0016]

- (1) F. lutescens 内で自律複製するレプリコンを得る。【0017】
- (2) F. lutescens 内で発現機能する薬剤耐性マーカーを得る。【0018】
- (3) F. lutescens 内へのDNA導入法を確立する。【0019】

上記 (1) および (2) の課題は、幸運なことに、最近 Mo Bi Tec 社より発

売された、広範囲のグラム陰性細菌で自律複製し、カナマイシン、クロラムフェ ニコール耐性を有する p B B R 1 2 2 を使用できることを見い出し解決できた。 次に、上記(3)の課題解決には、まず、上記プラスミドpBBR122のF.l utescens 内への導入法が確立されることが前提になる。ところが、エレクトロ ポーレーション法による E. Coli へのDNA導入法をもとに検討した結果、カ ナマイシン20μg/mlを含むLプレートに F. lutescens のコロニーが生え 、これを液体培養してアルカリSDS法によってプラスミドを抽出したところp BBR122は安定に F. lutescens に保持されていることを確認できた。こう して、上記(3)の課題も解決できた。この宿主-ベクター系は、(a)形質転 換効率が非常に高く、(b)適当な大きさのDNA断片をpBBR122に挿入 できることが知られており(J. Bac. 178 (1996), 1053-1060)、取得した遺伝子を F. lutescens 内で増幅することが可能にしたばかりでな く、lat や1-ピペリジン-6-カルボン酸デヒドロゲナーゼ活性タンパク質を コードする遺伝子をショットガンクローニングによって取得することも可能にし た。さらに操作を容易にすべく p B B R 1 2 2 の クロラムフェニコール 耐性遺伝 子の代わりにpUC19のマルチクローニングサイトを導入したpCF704を 作成し、これを以後ベクターとして用いた。

[0020]

次に、取得または増幅した遺伝子を評価する系を確立するため、F. lutescens IFO 3084にN-メチルーN' ーニトローN-ニトロソグアニジン(NTG)により突然変異を誘発させた。

[0021]

こうして取得した、Lーホモグルタミン酸を全く生産しない第一変異株とわずかしか生産しない第二および第三変異株を取得した。このLーホモグルタミン酸を全く生産しない第一変異株には野生型株と同等の lat 活性が確認され、わずかしか生産しない第二および第三変異株には lat 活性がわずかしか確認されなかった。

[0022]

次に、野生型株のゲノムDNAを SaullIAI で部分消化し、その6-8Kbp

断片をPCF704のBamHI部位に挿入したDNAライブラリーを作成した。これらを上記第一、第二および第三変異株にそれぞれ導入し、Lーホモグルタミン酸生産能を回復する株をスクリーニングした。この際、変異株のスクリーニングに使用したエオジンYを含むMEMプレート(PH7.0)で黒くなるコロニーを拾い、TLCでLーホモグルタミン酸生産能を確認するという方法を用いた。なお、これらの変異株の代表的なものとし、第二変異株(Flavobacterium Intescens 2nd mutant)は、平成10年7月6日付で工業技術院生命工学工業技術研究所に寄託され、受託番号FERM P-16874が付され、保管されている。

[0023]

この結果、第一変異株のLーホモグルタミン酸の生産性を相補するプラスミドを有する株および第二変異株のLーホモグルタミン酸の生産性を部分的に相補するプラスミドを有する株がそれぞれ得られた。しかし、これらの株、特に第二変異株を相補する株のプラスミドは欠失が起きやすいらしく、安定なプラスミドを取得するためのスクリーニングが必要であった。制限酵素処理によるDNAフラグメント解析の結果、こうして得られた第一変異株を相補し、pCF111と命名したプラスミドと第二変異株を部分的に相補するpCF213と命名したプラスミドは見かけ上全く同一のプラスミドであった。

[0024]

一方、pCF111およびpCF213を第一、第二および第三変異株にそれぞれ再形質転換し、L-ホモグルタミン酸生産能をTLCで調べた。この結果両プラスミドともには第一変異株を相補したが、第二および第三変異株は部分的に相補しただけであった。

[0025]

かような相補試験の結果、L-ホモグルタミン酸の生産性が欠損した変異株の L-ホモグルタミン酸生産能を十分に回復するプラスミドには、本発明に従う少なくともL-ホモグルタミン酸の生産に関与する遺伝子が存在することになる。

したがって、限定されるものでないが、本発明にいう「Lーホモグルタミン酸の生産に関与する遺伝子としては、プラスミドpCF213のインサート部分に

含まれる遺伝子を挙げることができる。例えば、配列番号:1に示されるDNA 配列中の連続するヌクレオチド配列として存在するものであって、かつLーホモグルタミン酸の生産能を欠損した突然変異株の該生産能を回復する機能を有する遺伝子を含んでなるものが挙げられる。本発明のDNAは、上記のような遺伝子それ自体からなるか、または該遺伝子を一部に含む単離されたDNAである。該遺伝子を一部に含むDNAにおける遺伝子以外のヌクレオチドは、F. lutescensのゲノム由来であっても、外来のものであってもよい。該ヌクレオチドが F. lutescensのゲノムに由来する場合の、本発明のDNAの具体的なものとしては、配列番号:1で示されるものを挙げることができる。

[0026]

また、本発明のDNAは、上記遺伝子の改変体であって、該遺伝子における1 もしくは数個のヌクレオチドが欠失、置換もしくは付加されたものを含んでいて もよい。しかし、このような改変体は、上記遺伝子と同様な機能、すなわちLー ホモグルタミン酸の生産能を欠損した F. lutescens の変異株のLーホモグルタ ミン酸の生産能を回復しうる機能を有するものに限定される。

[0027]

上記遺伝子の1もしくは数個のヌクレオチドが置換した改変体の典型的なものとしては、遺伝コードの縮重により上記遺伝子と同一のアミノ酸配列をコードするような改変体を始め、上記遺伝子の機能に悪影響を及ぼさない範囲でヌクレオチドが置換した改変体を挙げることができる。

[0028]

また、ヌクレオチドの欠失および付加も、上記遺伝子の機能を発揮しうる範囲であれば、そのような欠失および付加を伴う改変体を含むDNAも本発明の範囲内のものである。かような改変体は、配列番号:1に示されるヌクレオチド配列を参考に、それ自体既知の核酸合成機を用いて生成するか、あるいは、点突然変異誘発または部位特異的突然誘発により生成することにより提供できる。こうして得られる改変体から、上記のようなLーホモグルタミン酸の生産能を回復しうるものを選ぶことにより、本発明でいう改変体を提供しうる。

[0029]

本発明に従うDNAは、上記のような遺伝子または改変体を含み、組換えべクターの状態であることもできる。かようなベクターは、上記遺伝子または改変体以外に、自律複製配列、プロモーター配列、ターミネーター配列、薬剤耐性遺伝子等を含む自律複製性であることができる。さらに、ベクターは、使用が予定される宿主のゲノムの一定領域と相同の配列を含め、組込み型ベクターであることもできる。上記自律複製性の組換えベクターとしては、プラスミドpBBR122に上記遺伝子または改変体を担持させたものや、pBBR122の特定の部位にマルチクローニング部位を挿入するかまたは該部位もしくは領域をマルチクローニング部位で置換し、そのマルチクローニング部位を介して上記遺伝子や改変体を挿入したものが挙げられる。このようなベクターの具体的なものとしては、本明細書でプラスミドpCF111およびpCF213と称するものを挙げることができる。pCF213は、平成10年3月11日付で工業技術院生命工学工業技術研究所に寄託され、受託番号FERM P-16699が付された、Flavobacterium lutescens IFO 3084 (pCF213)から、それ自体既知のプラスミド単離法により得ることができる。

[0030]

本発明によれば、さらに、宿主としてフラボバクテリウム属に属する細菌を、上記組換えベクターで形質転換して得られる形質転換体も提供される。フラボバクテリウム属に属する細菌は、本発明の目的に沿う限り、如何なる種の如何なる株であってもよいが、好ましいものとしては、F. lutescens I FO 3084および F. lutescens S P.7-1 (FERM BP-5457) を挙げることができる。

[0031]

したがって、上記形質転換体の代表的なものとしては、F. lutescens IFO 3084 および F. lutescens SP.7-1をpCF213で形質転換したものを挙げることができ、特に好ましいものは、上記FERM P-16699で生命工学工業技術研究所に寄託されている F. lutescens IFO 3084 (pCF213) である。

[0032]

本発明によれば、また、上記形質転換体を用いるL-ホモグルタミン酸の生産方法が提供される。かような方法では、培地で培養中に増殖した形質転換体を、出発原料、L-リジンまたはL-ピペリジン-6-カルボン酸(もしくは2-アミノアジピン酸-6-セミアルデヒド)と接触させるか、あるいは増殖した形質転換体またはその処理菌体(例えば、有機溶媒処理物、菌体抽出物、固定化処理物)と接触させ、出発原料をL-ホモグルタミン酸に変換する。

[0033]

培地の炭素源としては、形質転換体の利用可能なものであれば如何なるものも使用でき、宿主として、F. lutescens を用いた場合には、例えば、グルコース、フルクトース、シュクロース、デキストリンなどの糖類、グリセロール、ソルビトールなどの糖アルコール、フマル酸、クエン酸等の有機酸を使用でき、これらの炭素源の培地への添加量は、通常、0.1~10重量%(以下、%と略称する)程度とすることが望ましい。

[0034]

培地の窒素源としては、例えば、塩化アンモニウム、硫酸アンモニウム、リン酸アンモニウム等の無機酸アンモニウム塩やフマル酸アンモニウム、クエン酸アンモニウム等の有機酸アンモニウム塩ないし、肉エキス、酵母エキス、コーンスティーブリカー、カゼイン加水分解物等の天然窒素源を使用でき、これらの窒素源の培地への添加量は、通常、0.1~10%程度とすることが望ましい。

[0035]

又、無機塩類としては、例えば、リン酸カリウム、リン酸ナトリウム等のリン酸アルカリ金属塩や塩化カリウム、塩化ナトリウム、等の塩化アルカリ金属塩、硫酸マグネシウム、硫酸第一鉄等の硫酸金属塩を使用でき、これらの無機塩類の培地への添加量は、通常、0.001~1%程度とすることが望ましい。

[0036]

これらのうち、通常の細菌用の増殖培地を用いた液体培養が好ましく、炭素源としてはグルコース、マルトース、澱粉などが、窒素源としては硫酸アンモニウム、ペプトン、酵母エキス、大豆粉などが特に有効である。その他に、無機塩と

してリン酸カリウム、硫酸マグネシウム、食塩などが通常用いられる。

[0037]

微生物の培養は、上記の培地で $20\sim40$ °C、好ましくは $28\sim37$ °CでpHは $5\sim9$ 、好ましくは $6\sim8$ で好気的条件下で実施すればよい。

[0038]

培養中に、上記により増殖した形質転換体と出発原料の接触は、予め培地に出発原料を加えておくか、または培養中に出発原料を適宜加えることにより行う。 また、培養終了後に、集菌した菌体または処理菌体と出発原料を培地または適当な緩衝液中で、必要により適当な補酵素等を加え、反応器中で撹拌または振盪するか、固定された菌体上に出発原料含有物を流動させることにより、上記接触を行うことができる。

[0039]

培養中に形質転換体とLーリジンを接触させる場合を例に、さらに具体的に説明すると次のとおりである。培地に形質転換体を接種した後、例えば、20~40℃で12~120時間培養することにより、形質転換体である微生物を1ml中に10⁶~10¹⁰個含む菌株培養液を得、その培養液に原料化合物であるLーリジンを通常、最終濃度が0.5~30mg/mlになるように水または補助溶剤に溶解して加えるか、または溶解せずにそのまま添加し、通常、20~40℃で18時間~7日、好ましくは18時間~5日反応させ、陽イオン交換樹脂、陰イオン交換樹脂等を用いた各種イオン交換クロマトグラフィー、HP20などの吸着クロマトグラフィー、溶媒や温度を利用しての沈殿化や結晶化等の通常の精製手段によりLーホモグルタミン酸を得ることができる。

[0040]

添加するL-リジンの形状及び添加時期については特に制限されるものではないが、溶解性などの点から一塩酸塩として用いるのが好ましく、培養開始時の添加でもよく培養途中1~5日目にも添加してもよい。

[0041]

本発明によれば、L-リジンをL-ホモグルタミン酸に変換するL-ホモグルタミン酸の生産に関与する遺伝子を含むDNAが提供される。このDNAは、L

ーホモグルタミン酸の微生物学的な生産方法において有用である。また、本発明によれば、Lーホモグルタミン酸を効率よく生産しうる形質転換体およびその使用によるLーホモグルタミン酸の生産方法も提供される。

[0042]

【実施例】

以下、具体例により本発明をさらに詳細に説明する。

[0043]

(なお、Lーホモグルタミン酸は、単にホモグルタミン酸と略記する。)

1. ホモグルタミン酸非生産株の取得

F. lutescens I FO 3084株をL培地(ポリペプトン1.0%、酵母エキス0.5%、NaC1 0.5%、グルコース0.1%、pH7.2)3m1に植菌し、32℃で一晩振盪培養した。これを種菌としてその100μ1をL培地50m1に植菌し、32℃で4.5時間振盪培養した。この培養液から菌体を5000×g、10分間の遠心分離で集菌し、0.2Mリン酸バッファー(pH6.0)で一回洗浄し、0.2Mリン酸バッファー(pH6.0)6m1に懸濁した。この菌体懸濁液に80mg/m1 NTGを50μ1加え、32℃で20分間振盪培養した。この培養液から集菌した菌体を0.2Mリン酸バッファー(pH6.0)で一回洗浄し、全量をL培地50m1に植菌し、32℃で一晩振盪培養した。この培養液を500μ1ずつ分注し、これに60%グリセロール溶液500μ1を加えてよく混合し、-70℃で凍結保存したものを変異株保存液とした。

[0044]

この変異株保存液を0.85%NaClで 10^6 倍希釈し、8cmシャーレのMEM寒天培地 pH7.2(ポリペプトン0.5%、酵母エキス0.2%、リジンーHCl 1.0%、メチレンブルー0.006%、エオジンY0.04%、寒天1.5%、pH7.2)に 100μ lずつ塗布し、32%で三日間培養した。生えてきたコロニーのうち白色を呈しているコロニーをスクリーニング培地(ポリペプトン1.0%、酵母エキス0.2%、リジンーHCl 1.0%、pH7.2)1mlに植菌し、32%で二日間振盪培養した。この培養液 3μ 1をシリカゲルTLCプレートの各レーンに滴下し乾燥させた。このプレートをブタノール:酢酸:

水 (3:1:1) からなる溶媒系で展開し、ニンヒドリン発色して各クレーン毎にホモグルタミン酸の有無を調べた。このようにして変異株の中から全くホモグルタミン酸を生産しない第一変異株と、ほんのわずかだけホモグルタミン酸を生産する第二変異株、第三変異株を分離した。 Lーリジンからホモグルタミン酸への変換能(またはホモグルタミン酸の生産性)をTLC分析により調べた結果を図1に示す。また、これらの変換株における lat 活性の測定結果を図2に示す

[0045]

2. ホストーベクター系、形質転換系の構築

F. ,lutescens I FO 3084株をL培地3mlに植菌し、32℃で一晩振盪 培養した。これを種菌としてその100μlをL培地50mlに植菌し、32℃で4.5時間振盪培養した。この培養液から菌体を5000×g、10分間の遠心分離で集菌し、10%グリセロール溶液で一回洗浄し、10%グリセロール溶液で一回洗浄し、10%グリセロール溶液・コの懸濁液を200μlずつ分注し、-70℃で凍結保存したものをエレクトロセル保存液とした。この保存液を氷上で融解し、Broad Host Range Vector pBBR122 (Mo Bi Tec 社) 200μg/ml TE溶液 1μlを加えた。これを0.2cmのエレクトロキュベット (Electrocuvette) (BIORAD 社) に入れ、ジーンパルサー (Gene Pulser) I I (BIORAD 社) を用い2.4 KV、200Ω、25μFの条件で一回電気パルスをかけた。このセルをファルコン (Falcon) チューブに入れ、氷冷した上培地1mlを加え、32℃で2時間振盪培養した。この培養液をカナマイシン20μg/mlを含む上寒天培地(ポリペプトン1.0%、酵母エキス0.5%、NaCl 0.5%、グルコース0.1%、寒天1.5%、pH7.2)に塗布し、32℃で三日間培養した。2.4×10⁵個の形質転換株を得た。

[0046]

3. プラスミドpCF704の構築

末端にEcoRIサイトとNcoIサイトを付着したプライマーを合成(ファルマシア社)し、Taq ポリメラーゼ(Taq polymerase)(ファルマシア社)とPCRサーマルサイクラー(Thermal Cycler)PERSONAL(TaKaRa社)を用い、pU

C18のマルチクローニングサイトとその周辺領域95bpを増幅した。このDNA断片を制限酵素EcoRIとNcoIで消化し、pBBR122のEcoRI、NcoIサイトに Ligation Kit version 2 (TaKaRa社)を用いて連結反応した。この反応液で E. coli コンピテント細胞JM109 (TaKaRa社)を形質転換して得た形質転換株からプラスミドpCF704を QIAGEN Plasmid Midi Kitを用いて調製した。

[0047]

4. プラスミドpCF213の構築

F. lutescens I FO 3084株のゲノムDNAを QIAGEN Blood and Cell C ulture DNA Kit に従って抽出精製した。このゲノムDNAを制限酵素 SauIIIAI で部分分解し、その6~8 K b p 断片をアガロースゲルから切り出し、ウルトラフリーC3ユニット0.45μm (ミリポア社)を用いてDNAを回収精製しT E溶液に溶解したものをインサートDNA溶液とした。一方、p C F 7 0 4 を制限酵素 B a m H I で消化し、アルカリ性ホスファターゼで脱リン酸化した。これとインサートDNA溶液とを Ligation Kit version 2 (TaKaRa 社)を用いて連結反応したものをDNAライブラリーとした。

[0048]

このDNAライブラリーを第二変異株(FERM P-16874)のエレクトロセル保存液に加え、電気パルスをかけた。このセルを Falcon チューブに入れ、氷冷したL培地1m1を加え、32℃で2時間振盪培養した。この培養液全量をカナマイシン20 μ g/m1を含む50m1L培地に植菌し32℃で二日間振盪培養した。この培養液を500 μ 1ずつ分注し、これに60%グリセロール溶液500 μ 1を加えてよく混合し、-70℃で凍結保存したものを相補株保存液とした。

[0049]

この相補株保存液を0.85%NaClで10³倍希釈し、8cmシャーレのMEM寒天培地pH7.0 (ポリペプトン0.5%、酵母エキス0.2%、リジンーHCl 1.0%、メチレンブルー0.006%、エオジンY0.04%、寒天1.5%、pH7.0) に100μlずつ塗布し、32℃で三日間培養した。一面に

生えてきた菌体のうち黒色を呈している部分を相補株混合菌体とした。この相補株混合菌体をスクリーニング培地3m1に植菌し、32℃で二日間振盪培養した。この培養液3μ1をシリカゲルTLCプレートの各レーンに滴下し乾燥させた。このプレートをブタノール:酢酸:水(3:1:1)からなる溶媒系で展開し、ニンヒドリン発色して各レーン毎にホモグルタミン酸の有無を調べた。このようにしてホモグルタミン酸生産能を回復している相補株混合菌体を選び、さらにシングルコロニーに分離し、ホモグルタミン酸生産能を回復している株を選んだものを相補株とした。この相補株をからQIAGEN Plasmid Midi Kit を用いて調製したプラスミドをpCF213とした。pCF213には約6.5KbpのインサートDNAが挿入されていた。なお、別途得られたプラスミドpCE111の各変異株に対する相補性と共に、上記pCF213の相補性を調べた結果を、図3に示す。

[0050]

5. pCF213によるホモグルタミン酸生産能の向上

PCF704で野生型 F. lutescens IFO 3084株を形質転換した株をWild PCF704株、PCF213で形質転換した株をWild PCF213株とした。両者をカナマイシン20μg/mlを含むスクリーニング培地3mlに植菌し、32℃で一晩振盪培養した。これを種菌としてその100μlを生産培地(ポリペプトン1.5%、酵母エキス0.5%、リジンーHC1 2.0%、PH無調整)25mlに植菌し、32℃で24時間、48時間、72時間それぞれ振盪培養した。この培養液の上清中のホモグルタミン酸量をHPLCで測定した。すなわち培養液をアミノ酸総濃度で1000mg/L程度になるよう蒸留水で希釈し、50μlを試験管に移し減圧乾固した。ここにフェニルイソチオシアネートとトリエチルアミンとエタノールと蒸留水を1対1対7対2で混合した溶液を50μl加え、撹拌溶解、10分間室温においた後減圧乾固した。これHPLCの移動相A溶液500μlに溶解、5μlをインジェクトした。HPLC条件を下記に示した。

[0051]

カラム: TSK-GEL super-ODS 4.6 ID×50mm

移動相: A溶液 140 mM 酢酸ナトリウム-0.05% トリエチルアミンを氷酢酸で p Hを6.2に調整した溶液1000対アセトニトリル40

B溶液 70%アセトニトリル

流速:2.0 ml/min

溶出条件:流速一定のグラジエント、0分から7分までB溶液2%から40% へのリニアグラジエント、7分以降B溶液100%

検出:UV254nm

温度:40℃

この条件でホモグルタミン酸の保持時間は1.3 min、リジンは7.7 min であった。

[0052]

この結果図4に示したように野生型pCF213株は野生型pCF704株の1.5培のホモグルタミン酸生産能を有した。

[0053]

6. pCF213インサート領域の遺伝子塩基配列の決定

p C F 2 1 3 インサート領域について ABIPRISM 3 7 7 X L D N A Sequence r (Perkin Elmer 社) を用いプライマーウォーキング法により塩基配列を決定した。この塩基配列を配列番号: 1 に示した。

[0054]

決定された塩基配列をもとに Bibb らの方法 (Gene, 30, 157 (1984)) に従ってオープンリーディングフレーム (ORF) を調べた。その結果図 5 に示したORFを見いだした。

[0055]

7. pCF213インサート領域のNotI部位約2.5Kbpの解析

pCF213インサート領域のうち制限酵素NotI部位約2.5 Kbp(配列番号: 1の塩基配列2077-4578位)について解析を行った。このNotI 部位約2.5 Kbp をアガロースゲルから切り出し、ウルトラフリーC3 ユット0.45 μ m (ミリポア社)を用いてDNAを回収精製しTE溶液に溶解

し、DNA Blunting Kit (TaKaRa 社) に従って末端を平滑化たものをインサート DNA溶液とした。一方、pCF704を制限酵素HincIIで消化し、アルカリ性ホスファターゼで脱リン酸化した。これとインサートDNA溶液とを Lig ation Kit version 1 (TaKaRa 社) を用いて連結反応した。この反応液で F. lu tescens IFO3084株を形質転換して得た形質転換株から、プラスミドpC F235を QIAGEN Plasmid Midi Kit を用いて調製した。

[0056]

pCF235で形質転換した第一変異株をスクリーニング培地3m1に植菌し、32℃で二日間振盪培養した。この培養液3μ1をシリカゲルTLCプレートの各レーンに滴下し乾燥させた。このプレートをブタノール:酢酸:水(3:1:1)からなる溶媒系で展開し、ニンヒドリン発色して各レーン毎にホモグルタミン酸の有無を調べた。この結果pCF235で形質転換した第一変異株はホモグルタミン酸生産能を回復した。

[0057]

なお、pCF235に組み込んだDNA配列約2.5Kbpには、配列番号: 2の塩基配列2855番目のATGから始まり4387番目のTAAで終わる510アミノ酸からなるORFが存在した。このアミノ酸配列をBLASTによるホモロジーサーチにかけた結果、種々のアルデヒドデヒドロゲナーゼと高い相同性を示し、さらに最近データベースに登録されたStreptomyces dlavuligerusのピペリジンー6ーカルボン酸デヒドロゲナーゼのアミノ酸配列と全域にわたり高い相同性を示した。pCF235で形質転換した第二変異株がホモグルタミン酸生産能を回復したこと、および野生型pCF213株のホモグルタミン酸生産能が向上したことを考え合わせると、このORFがコードする蛋白質はピペリジンー6ーカルボン酸デヒドロゲナーゼであると推測された。

[0058]

【配列表】

配列番号:1

配列の長さ:6357

配列の型:核酸

鎖の数:二本鎖

トポロジー:直鎖状

配列の種類: Genomic DNA

配列の特徴

特徴を表す記号: insertion seq

特徴を決定した方法:

配列:

GGATCGGGCC	ACTGGGCTCA	CTGCTGGACG	CAATCCGAGT	GCCGGGATGG	CTCGGGTTGA	60
AGGTGTTGCG	GATCACGATC	GGCATCTGCC	GGGCGATGGC	CGGGCTCATC	GTCTGCGGGT	120
GCACCACCTT	GGCGCCGAAA	TAGGCCAGTT	CGCAGGCCTC	GTCATAGCTG	AGCGTGGCCA	180
GGGTCACCGC	CTCGGGCACC	ACCCGCGGGT	CGGCCGACAG	CACACCGTCG	ACATCGGTCC	240
AGATGTGCAG	CTCGGCCGCC	TCGAACAGCG	CGGCAAAGAT	CGCCCCGGAA	TAATCGCTGC	300
CGTTGCGGCC	CAGGGTGGTG	ATCCTGCCCT	GGCCATCACG	GGCGACAAAA	CCGGTGACCA	360
CCACCGCGA	CTGCGGGTTG	TCCACACGCC	AGGCGGCCAG	GTTGGCCGCA	CTGCGTTCCC	420
AGTCGACGCT	GACCCCCAGC	TCGCCGTGTG	CGACCACCAG	CACATCGCGG	GCATCGAGCA	480
CCGCGCAGGG	GTGGCCGAGC	CGGTTGAAAT	AGCGGCCCAG	CAGCTGGGCC	GAGAACACCT	540
CGCCCAGCCC	CTGCACCCTT	TCAAGCACCT	CCTCGGGCAG	GCCGCCGATC	ACCGCCAGCG	600
CTTCCAGCAA	CCCGGCCAGC	TTGTCAAAGC	GTCCATCCAG	CCACTGCAGC	AGGTCGGCAG	660
AATCCTCGCC	CAGCAGTTCG	GTGGCCGCTT	CATGGTGGCG	CTGGCGCAGG	GCCTGCCAGG	720
CATCACGCCA	GCGCGGCTGA	CCGTGGGCGG	CCAGGGTAGC	CAGCTCGATC	AAGGCATCGG	780
TGACACCCTT	CATCGCCGAG	ACCACCACCA	CCTGGGTGGG	TTCCGGGCGC	TGCAGCAGCA	840
ACTCGGCGAC	ATGGCGGTAG	CGCTGCGCCG	AGGCCACCGA	GGTGCCGCCG	AACTTGTGGG	900
CGATGACCTG	GGCATCGGGC	GCGGGAGCGG	GAGCGGGTGC	AGCGGCAGGC	GATGACATCA	960
CAACAGACCT	CTGGGGTTGA	GGCCCGGCAC	CGCAGGTTGC	GAAGTCCCGC	AACCTGGTCG	1020

GTGCGGGGCC	GTTGTTTTCG	GGGGTTAGAC	GAATACGACG	GGCCGCACCA	GCCAAGTGGT	1080
GGTGGTAATG	ATGGTCATGC	CGGTGACGCC	AGCAGGCGCC	AGCAGGGCGG	CAGTGGAATC	1140
AACGGTGGCG	CGGCAGATCG	ACATGCAGCG	AGCAGACCGC	ACAGCGCCTG	CTGCTGTCAA	1200
CTGTTGCATT	GCAAAATAAT	TTTCCGCGCA	TCATCGGCGA	ACATGCACCG	ATTTGGTTGC	1260
AAATGTGATC	GTCAGCGATC	TTCTGTCAAA	ACCCGCGGAT	CAAGCGGCCA	CAGCCGCTGC	1320
GGCAGCCGCG	GACCACCGCG	CGCCGATGCC	AGCGCCGGGC	GGCAGAGCAA	GCCGCCAGCG	1380
CAACCGGCCA	TTACCGCGGC	CAGGCGCCGG	GCCTGCGCGG	CTCAACCGTG	GATTTTTTCC	1440
CAGCGGGCGT	GGGCCTGCGC	GGCCAGCACC	ACCCCGCCGA	CCAACAGCGC	AATGGCCAGC	1500
AGCTCCAGCA	GGGTCGGGCC	ACGCTGCTGC	CAGATGAAGC	CATAAAGCAA	CGCGAACAGG	1560
GTTTCAAACA	CGATCAGCTG	CCCGCCCAGG	CTCAGCGGCA	GGCTGCGCGT	GGCCCGGTTC	1620
CAGCAGGCAT	TGCCCAGCAC	CGAGGCACCG	ACGGCCAGCA	GCGCACAGAT	GCCGGCAAAG	1680
TGCAGCCACT	GGCCCTGGCT	CTGCCCGAGC	GGCCCCAGCC	ACAGCGCCAG	CGGCAGCAAC	1740
AGCACGGCGA	TGGCCCCTGT	GGCCACCCCG	GTCAACAACG	ACCAGGCATG	CCCGGACAGG	1800
TGCGGATAGC	GCCGCATCCA	CACCACATTG	GCGATCGAGT	AGCCACTCCA	GGCGGCCAGC	1860
GCGGCCAGCG	CGCAGAGCAG	GCCCAGCACC	CGCTGACCGA	TGTCCTTGCC	AGCATCGCCC	1920
GCCGCGCCCG	CGCCGTGGCC	GAGTGCAGCC	CAGGCCACCA	GCAGCGAGCC	CAGCACACAC	1980
AGGCACAGCG	CCGGTGCCAG	CTGACGCAAC	GGCAGGGCCG	TTGGCCGCCG	CGCATCCACC	2040
GCCGCCACCA	CCACCGGCAC	CATGCCCACG	ATCAGCGCGG	CCGCCGCACC	GCCAGCCCAG	2100
TGCACGGCCA	TCGCCAGAAA	CACGAAATAG	ACCAGGTTGC	CGAGCAGGCT	CAGCCCGGCC	2160
AGGGCCAGCC	AGGCGCGGCG	ATCGACCTGC	GCACGCAGCG	CCGGCCACAA	CGGCAGCAGC	2220
AACGCACAGG	CCACCGCACC	GTACAGCAGG	TAGCGGCCCA	CGGCCAGCTG	CAGCGCAGAA	2280
AATGCGGTGG	TCAAGGCCGG	CGCCAGGAAC	ACCATGCCCC	ACAGGGCACC	GGCGAGCACG	2340
CCGTTGAACA	GTCCCCACGC	GGTCTGGTTG	TTGCGCTGGA	TCACGCTGCA	AGGCCCTGCA	2400
ATGAACAACA	GGCCGGGGCG	GCGCAGCGCA	TGGGCGCTGG	CAGCTCTCCG	ACCTGTGCAA	2460
AGGTGGTGGC	CCCGACACGA	TTCGAACGTG	CGACCTGTCC	CTTAGGAGGG	GACCGCTCTA	2520
TCCAGCTGAG	CTACGGAGCC	ATGAGGCCGG	CGATTCTAGC	ATCCGCTCTC	CGTTCACGGC	2580
CATCGCCCGC	AGCCGCAGTT	CACAGTGCAG	GGCAACCGCA	GCAAGCCCCC	GCCCCGCTGC	2640
AACCCTCGCG	CCCGCGCGCA	ACGTGACCGG	CGCCGCGCA	GGCCCGGCCC	CCACGGCCAC	2700
TGGCGCCGGT	TCCGCACCAC	GCCACCGGCA	ACACGCCCCC	AGCCCTGCCC	AACGTGGTGT	2760

TTCAGCGCTC	TGTTAAGATG	GCATGCCCAC	ATGCCACCTC	CCCCGGACG	CGCCGCGGGT	2820
GCGTGACCTT	TTCGTAACGT	AATCTGGAGT	TTCCATGTCG	TTTGAACTGC	TCAAGGCCTT	2880
AGGGCTGGAC	GCCACCAATT	CCGGCACCTA	CCTGGGTGAT	GGAGAATGGT	CCAGCGCTAC	2940
CGGTGCCGGG	ACCATCAGCC	CGCGCAACCC	GACCACCGGC	GAGGTCATTG	CCCAGGTCCA	3000
GGCCACCACC	GAGGCGGACT	ACGAAACCAT	CCTGGCCCGC	GCCCAGCAGG	CCTTCAAGGT	3060
CTGGCGCACC	ACCCCGGCAC	CGCGCCGCGG	CGAGGCCATC	CGCCTGTGTG	GCGAGGCCCT	3120
GCGCCGCCAC	AAGGACGCGC	TGGGTTCGCT	GGTCGCGCTG	GAAATGGGCA	AGTCCAAGCC	3180
GGAAGGCGAC	GGCGAAGTCC	AGGAAATGAT	CGACATCGCC	GACTTTGCCG	TCGGCCAGAG	3240
CCGCATGCTG	TATGGCTACA	CCATGCACAG	CGAGCGCCCC	GGCCACCGCA	TGTACGAGCA	3300
GTACCAGCCG	CTGGGCATCG	TCGGCATCAT	CTCGGCCTTC	AACTTCCCGG	TCGCGGTCTG	3360
GGCCTGGAAC	AGCTTCCTGG	CCGCGATCTG	TGGTGATGTC	TGCATCTGGA	AGCCGTCCAA	3420
CAAGACCCCG	CTGACCGCGA	TCGCGTCCAT	GCGCATCTGC	AACGAAGCAC	TGCGCGAAGG	3480
CGGCTTCCCG	GACATCTTCT	TCCTGATCAA	CGACGCCGGC	ACCGCGTTGT	CGGAGAAGCT	3540
GGTCGAGGAC	AAGCGCGTGC	CGCTGATCTC	CTTCACCGGC	TCGACCCAGG	TCGGGCGCAT	3600
CGTCAACCAG	AAGGTCGCCG	CCCGCCTGGG	CCGCTGCCTG	CTCGAGCTGG	GCGGCAACAA	3660
CGCGATCATC	CTGGACGAAA	CCGCCGACCT	GAAGCTGGCC	GTGCCGGGCA	TCGTCTTCGG	3720
CGCCGTCGGC	ACCGCCGGCC	AGCGCTGCAC	CACCACCCGC	CGCCTGATCG	TGCACGAATC	3780
GATCTACGAC	AACGTGCTGG	CCACCTTGAT	CAAGGCCTAC	AAGCAGGTCG	AAGGCAAGAT	3840
CGGCGATCCG	CTGGATGCCG	CCAACCTGAT	GGGCCCGCTC	AACAGCCCCG	AAGCGGTGCA	3900
GCAGTTCCTG	GCCTCGATCG	AGAAAGCCAA	GGCCGCTGGC	GGCACCGTTC	AAACCGGTGG	3960
TACCGCGATC	GACCGCCCGG	GCAACTTCGT	GCTGCCGGCC	ATCGTCACCG	GCCTGAAGAA	4020
CAGCGATGAG	GTGGTCCAGC	ACGAGACCTT	CGCCCCGATC	CTGTACGTAA	TGAAGTACTC	4080
CACCCTGGAC	GAAGCCATCG	AGATGCAGAA	CGGCGTGCCG	CAGGGCCTGT	CCTCGTCGAT	4140
CTTCACCACG	AACCTGAAGG	CAGCCGAGAA	GTTCCTGTCG	GCGGCCGGCA	GCGACTGCGG	4200
CATTGCCAAC	GTCAACATCG	GCACTTCCGG	TGCCGAGATC	GGCGGCGCCT	TCGGTGGCGA	4260
GAAGGAAACC	GGCGGTGGCC	GTGAGTCCGG	CTCGGATGCG	TGGAAGGTCT	ACATGCGCCG	4320
CCAGACCAAC	ACCATCAACT	ACTCCGACTC	GCTGCCGCTG	GCCCAGGGCA	TCAAGTTCGA	4380
CCTGTAAGCC	GCTCGCCACG	GCCCGCCTTC	CCCGGAAGCA	GGCCGTGGCT	GTTGCACCAG	4440
CCAGAGGAGT	GACTGCATGA	CTGCAATTGA	ATCGACTGCC	GCACGCACCA	CCAACACTTG	4500

CGCCATCCTG	TCGCTGGTAC	TGGCACTGCT	GGGCTGGAAT	CTTTTGCCGG	TGATTGGCTT	4560
TGTCGGCGCC	ATCATCTGCG	GCCGCATCGC	CCAGCGCCAG	CTCAAGCAGC	CCGGCAATAC	4620
CCAGGACGGT	CACGGCCTGG	CAAGGGCGGG	CATCTGGATC	AGTTGGATCA	GCCTGATCCT	4680
GGTTGCGCTG	CTGATCGGCG	TCGTGATCCC	GTGGTTGACC	GCCCCGATCA	CGATCAACCT	4740
GCCCGTTTCC	ACCTGACCCT	CCTCCCTGCC	AGTCGCCCAT	GCGCTGACAG	GCCAACCCGT	4800
TTCCTGCCTG	GACCAGACCA	TGCTCCCGCC	CGACCATCCG	GCTCCACCAT	CGCCCATTGC	4860
CGGCACCACA	ACCTCGACCA	ATGGCTATGC	GGTGGCCTCG	CTGGTGATGG	GCATCCTTGG	4920
CTGGTCGATG	ATCCCGCTGT	TGGGCAGCAT	CGGCGCCATC	GTGTTCGGGC	ATCTGGCCCG	4980
GGCGCAGATC	CGTCGCCAGC	CCCAGCAGGG	CGATGGCCTG	GCACTGGCCG	GGCTGATCCT	5040
GGGCTGGATC	TCGATTGCGC	TGTGGATCCT	CGGGATCCTG	GCGTTTTTCC	TCTTCTTTGG	5100
CGGGCTGGCC	ATGCTGCTCA	GCCTGAACGC	CTGACCCGAG	CCTTGCCGTA	TGTATTCCCT	5160
GCTCCGTCCC	GCCCTGTTCT	GCATGGATGC	CGAGCGCCCC	CATGGCGCCG	GCCTGCGCGC	5220
CCTGGATCTT	GCCTACCGCA	GCGGTACGCT	GGGGCTGCTG	GCCAGCCGGC	CAGCACCGCT	5280
TCCAACCCGC	GCTTTCGGCC	TGGAATTCCC	CAACCCGGTG	GGCCTGGCGG	CCGGCCTGGA	5340
CAAGAACGGC	GAGCATATCG	ATGCACTGTT	CGCGCTGGGC	TTTGGCTATG	TCGAAATCGG	5400
CACGGTGACC	CCGCGCCCGC	AGGCCGGCAA	TCCGCAGCCA	CGGCTGTTCC	GCGTGCCCGA	5460
GCACCTGGGC	GTGATCAACC	GCATGGGTTT	CAACAATGCC	GGCGTCGATG	CGCTGGTGGC	5520
CAATGTGCGC	GCGGCACGGC	GTGACCGCGG	CATCCTCGGC	ATCAACATCG	GCAAGAACAA	5580
GGACACCCCC	AACGAGCTGG	CCCATACCGA	TTACCTGACC	TGCCTGGAAA	AGGTGTACGC	5640
GCTGGCCGAC	TACATCACCG	TCAACATCTC	CTCGCCCAAC	ACCGCCGGGC	TGCGCGAGCT	5700
GCAGGAAGAA	CAGGCCCTGC	GCGAGCTGGT	CAGCCGCCTG	CGCGAGGGCC	AGGAAACCCT	5760
GGCCGCACGC	CATGGCAAGC	GGGTGCCGAT	GCTGGTCAAG	GTCGCGCCGC	ACCTGAGCGA	5820
TGCCGATGTC	GATGCCGCCG	CCCGTGTGCT	GGCAGAGCTG	CAGGTGGACG	GGGTGATCGC	5880
CACCAACACC	ACCATCGCGC	GCGTGGGCAT	GGAAAACCAC	CCACTGGCCA	GCGAGGCCGG	5940
CGGCCTGTCC	GGGGCACCGG	TGATGGCGCG	G CTCCACCGCG	GTGCTGCGC	C GCCTGCGCAC	6000
CCGGCTGCCG	GAGTCGATCC	CGCTGATCGC	GCTCGGCGGC	ATCTGTTCC	GGGCTGATGC	6060
GGCGGCCAAG	ATGAGTGCCC	GCGCGACCAT	GGTGCAGCT	TACAGCGGG	C TGGTTTACCO	6120
CGGCCCGGCA	CTGGTCGGC	AATGCGTCGA	A ATCGATCCGC	CGCCGGCGC	G AAGCGCCCTC	6180
CAGCGGGGTA	GCCCATCTGT	GAGTACGCC	GGCTGGCAG	TGCACCACG.	A TGTCGCACTO	G 6240

CAATCAATGA ACACCTTCGG GGTAGCGGCC ACCGCGCCGC GCCTGCTGCG CGTGCACGAC 6300 AGCCAGGCCC TGCCGGCGGC GCTGGCGCAC CCGGAAGTAG CCGGACAGCC GTTGATC 6357

【図面の簡単な説明】

【図1】

F. lutescens の変異株によるL-ホモグルタミン酸生産の薄層クロマトグラフィーによる分析結果。Stは、標準のL-ホモグルタミン酸であり、V-ン1 ~4 は第一変異株、V-ン5~7は第二変異株、V-ン8~10は第三変異株、V-ン11は野生型株、V-ン12および13はプラスミドV04を有する第一変異株の分析結果を、それぞれ示す。

【図2】

F. lutescens の変異株のリジン6-アミノトランスフェラーゼ(LAT)活性を示すグラフである。Wild は野生型株、1stは第一変異株、2ndは第二変異株、3rdは第三変異株のLAT活性を示す。

【図3】

プラスミドpCF213によるL-ホモグルタミン酸生産性欠損変異株のL-ホモグルタミン酸生産性の相補性を示す薄層クロマトグラフィーによる分析の結果を示す。

HGはL-ホモグルタミン酸の移動位置を、LysはL-リジンの移動位置を示し、そしてStはL-ホモグルタミン酸標準物質の、1st pCF213、2nd pCF213および3rd pCF213は、それぞれpCF213を有する第一、第二および第三変異株の培養物の、Wild pCF213および Wild pCF704は、それぞれpCF213および pCF704は、それぞれpCF213およびpCF704を有する野生型株の培養物の、1st pCF704および2nd pCF704は、それぞれpCF704を有する第一および第二変異株の培養物の、ならびに1st pCF1111はpCF111を有する第一変異株の培養物のTLC分析結果である。

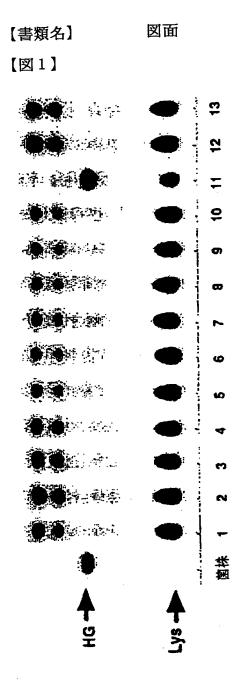
【図4】

F. lutescens IFO 3084 (pCF213) (図中、pCF213と表示) および F. lutescens IFO 3084 (pCF704) (図中、pCF704と表示) の経時的なL-ホモグルタミン酸の生産性を示すグラフである。

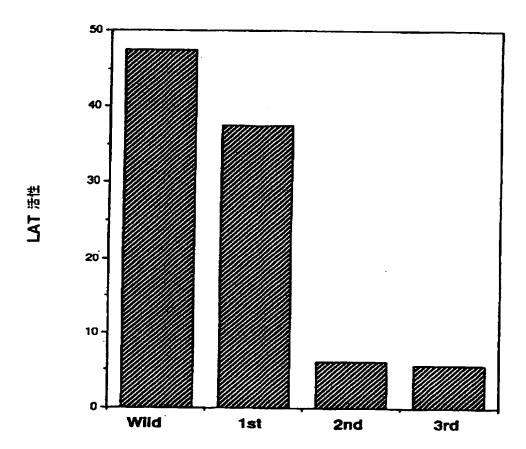
【図5】

p C F 2 1 3 インサート領域の塩基配列に基づき見い出されたORFの存在位

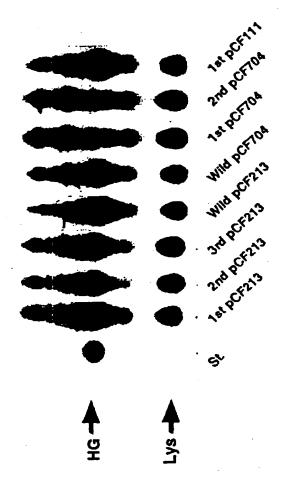
置を示す図である。

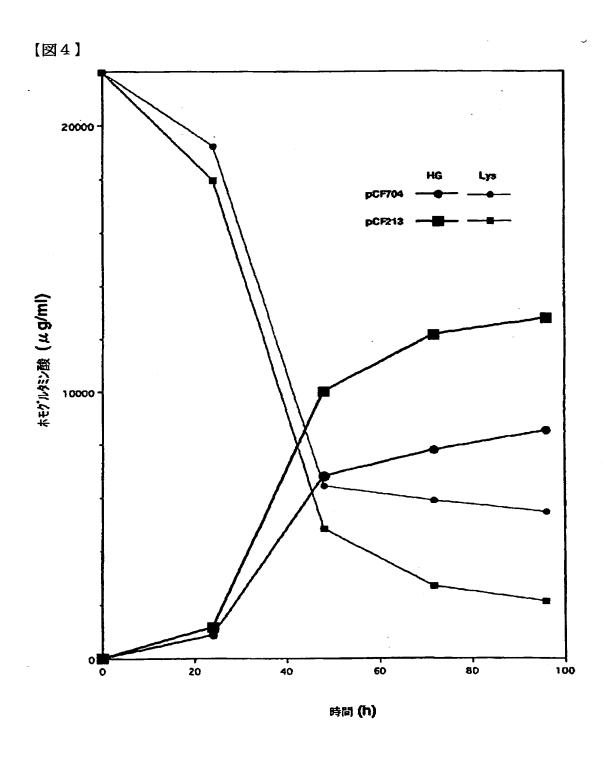


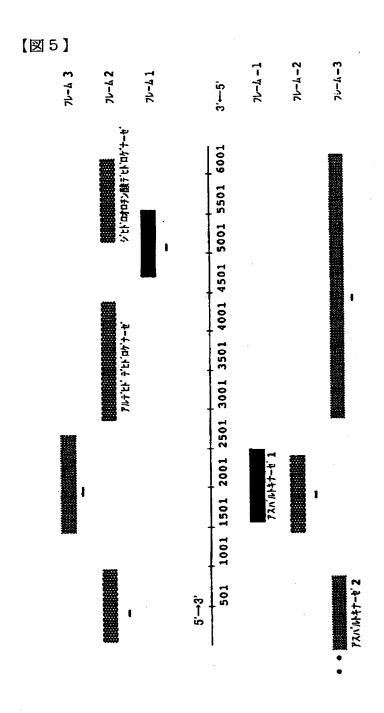
【図2】



【図3】







【書類名】

要約書

【要約】

【課題】 L-ホモグルタミン酸の生産に関与しうる単離された遺伝子、その遺伝子を用いるL-ホモグルタミン酸の生産系の提供。

【解決手段】 フラボバクテリウム リュテセンス (Flavobacterium lutescens) のゲノムから単離された L-ホモグルタミン酸の生産に関与する遺伝子、該遺伝子を用いる <math>L-ホモグルタミン酸の生産。

【選択図】

なし

啓式 7



受 託 証

通知番号 : 10 生寄文 第 362 号

通知年月日: 平成 10年 3月 11日

メルシャン株式会社 取締役社長

鈴木 虫雄

殿

工業技術院生命工学工業技術院生命工学工業技術院生命工学工業技術院生命工学工業技術院生命工学工業技術院計算工程的工程的工程。 大著 6 万業的添加 定所表现些

•	T	
(寄託者が付した識別のための表示)	(受託番号)	
Flavobacterium lutescens IFO 3084 (pCF213)	FERM	P- 16699
2. 科学的性質及び分類学上の位置		
1 棚の微生物には、次の事項を記載した文容が添付されていた。		
口 分類学上の位置		



普式 7

受 託 証

通知番号 : 10 生寄文 第 891 号

通知年月日: 平成 10年 7月 6日

メルシャン株式会社

取締役社長 鈴木 忠雄

殿

工業技術院生命工學工業技術院計22万字 大賽 第一万字記述所 定所是型空

1. 後生物の表示	
(お託名が付した識別のための表示) Flavobacterium lutescens 2nd mutant	(受託番号) FERM P- 16874
2. 科学的性質及び分類学上の位置	
1 楠の微生物には、次の事項を記載した文書が添付されていた。	
日 科学的性質	. ·
□ 分類学上の位置	•
3、受領及び受託	
当所は、平成 10年 7月 6日に受領した1橋の微生物を	受託する。

【書類名】

職権訂正データ

【訂正書類】

特許願

<認定情報・付加情報>

【特許出願人】

【識別番号】

000001915

【住所又は居所】

東京都中央区京橋1丁目5番8号

【氏名又は名称】

メルシャン株式会社

【代理人】

申請人

【識別番号】

100060782

【住所又は居所】

東京都港区赤坂1-9-15 日本自転車会館内

【氏名又は名称】

小田島 平吉

【代理人】

申請人

【識別番号】

100094293

【住所又は居所】

東京都港区赤坂1丁目9番15号 日本自転車会館

小田島特許事務所

【氏名又は名称】

藤井 幸喜

【代理人】

申請人

【識別番号】

100103311

【住所又は居所】

東京都港区赤坂1丁目9番15号 日本自転車会館

【氏名又は名称】

小田嶋 平吾

【提出された物件の記事】

【提出物件名】

受託証 2

出願人履歴情報

識別番号

[000001915]

1. 変更年月日 1990年 8月 8日

[変更理由] 新規登録 住 所 東京都中央区京橋1丁目5番8号

氏 名 メルシャン株式会社

THIS PAGE BLANK (USPTO)